

Table 2. Three-point data on selected mutants from Table 1.

Zygote genotype and recombination %	Parental combinations	Recombinations				Total, % germination, and linkage group	Marker isolation numbers
		Singles Region 1		Singles Region 2			
$\frac{+ \quad \text{aur} \quad \text{arg(RU3)}}{\text{AR5} \quad + \quad +}$ 40      19	-    21	-    17	7    -	-    2	47 (100%) I	AR5 34508 RU3	
$\frac{+ \quad + \quad \text{D5}}{\text{hist-2} \quad \text{nic-2} \quad +}$ 2.5      18	36    28	1    1	4    10	0    0	80 (80%) I	Y152M14 43002 D5	
$\frac{+ \quad \text{hist-2} \quad \text{nic-2}}{\text{M184} \quad + \quad +}$ 0      4.6	48    34	0    0	2    2	0    0	86 (86%) I	M184 Y152M14 43002	
$\frac{\text{A} \quad + \quad \text{aur}}{\text{a} \quad \text{NM203} \quad +}$ 11      23	25    19	0    5	7    6	1    1	64 (80%) I	(mt) NM203 34508	
$\frac{+ \quad \text{ad-9} \quad \text{nit-1}}{\text{P1417} \quad + \quad +}$ 2.3      10	44    31	1    1	4    5	0    0	86 (86%) I	P1417 Y154M37 34547	
$\frac{+ \quad + \quad \text{P1417}}{\text{hist-2} \quad \text{nic-2} \quad +}$ 11      10	39    32	3    7	3    6	0    0	90 (93%) I	Y152M14 43002 P1417	
$\frac{+ \quad \text{hist-2} \quad +}{\text{arg-1} \quad + \quad \text{P1798}}$ 3.4      5.6	34    47	1    2	2    3	0    0	89 (91%) I	B369 Y152M14 P1798	
$\frac{+ \quad \text{al-2} \quad \text{hs}}{\text{P2615} \quad + \quad +}$ 19      7.0	32    (39)*	8    (10)	3    (4)	0    (0)	43 (+53)* (96%) I	P2615 15300 51504	
$\frac{+ \quad + \quad \text{NM211}}{\text{acr-2} \quad \text{un} \quad +}$ 17      12	14    34	5    4	3    3	2    0	65 (87%) III	KH5 83106t NM211	
$\frac{+ \quad + \quad \text{B28}}{\text{ad-6} \quad \text{cot-1} \quad +}$ 4.8      1.2	88    67	5    3	2    0	0    0	165 (82%) IV	28610 C102t B28	