

TABLE 2

## Mitotic and meiotic tests for translocations

UV-induced mutant	Residual genotype	FGSC#	Linkage group of mutant	Deduced Translocation	T-free progeny FGSC#
<u>ActA1</u>	- <u>riboA</u> <u>yA</u> ; <u>nicB</u>	231	III L	none	412, 511
<u>adE20</u>	- <u>biA</u>	50	I R	} T1(II;VII)	428, 485
	- <u>pabaA</u> <u>biA</u>	429			
<u>adG14</u>	- <u>biA</u> ; <u>pA</u>	35	I L	none	17, 221
<u>anA1</u>	- <u>biA</u>	31*	I L	none	201, 202
<u>choA1</u>	- <u>biA</u>	1	VII R	} T1(I;VII)	75, 511
	- ( <u>AcrA</u> ; <u>lysB</u> ; <u>choA</u> <sup>+</sup> )	354			
<u>lacA1</u>	- <u>yA</u> ; <u>pyroA</u>	58*	VI R	none	349, 455
<u>luA</u>	- <u>biA</u>	55	I L	none	406
<u>lysB5</u>	- <u>biA</u> ; <u>smA</u>	66	V L	none	360, 365
<u>lysD20</u>	- <u>biA</u> ; <u>sB</u>	395	VII R	} T1(III;VII)	none
	- <u>pabaA</u> <u>yA</u>	418			
<u>methG1</u>	- <u>biA</u>	219	IV L	none	500
<u>methH2</u>	- <u>biA</u>	34	III L	none	503
<u>phenA2</u>	- <u>riboA</u> <u>adG</u> <u>yA</u>	352	III R	} T1(I;VIII)	180, 461
	- <u>proA1</u> <u>pabaA</u> <u>yA</u>	304			
<u>phenA3</u>	- <u>biA</u> ; <u>nirA</u>	260	III R	T1(I;IV)	402
<u>proA1</u>	- <u>biA</u>	32	I L	none	343, 411
<u>proA2</u>	- <u>biA</u>	111	I L	} T1(II;III)	364, 415
	- <u>riboA</u> <u>yA</u> ; <u>ActA</u>	414			
<u>pyroA4</u>	- <u>biA</u>	(33)	IV R	none	220, 426
<u>riboA1</u>	- <u>biA</u>	(158)	I L	none	188, 356
<u>riboB2</u>	- <u>biA</u> ; <u>AcrA</u> <u>wA3</u>	(5*)	VIII R	none	198, 410
<u>sA1</u>	- <u>biA</u>	(40)	III L	} T1(V;VI)	417
	- <u>anA</u> <u>yA</u> ; <u>wA2</u> ; <u>pyroA</u>	-			
	- <u>adG</u> ; <u>pyroA</u> ; <u>chaA</u>	(370)			
<u>sA2</u>	- <u>biA</u> ; <u>chaA2</u>	(372)	III L	} T1(V;VIII)	368
	- <u>pabaA</u> ; <u>chaA2</u>	(413)			
<u>sD50</u>	- <u>biA</u>	(249*)	VIII R	} T2(I;VIII)	none
	- <u>biA</u> ; <u>lysB</u>	(398)			